

1/4

```

      10              30              50
      .              .              .
CACGAGGACAAACAGTACCTGACGCCTCTTTCAGCCCGGGATCGCCCCAGCAGGGATGGGC
                                         M G
      70              90              110
      .              .              .
GACAAGATCTGGCTGCCCTTCCCCGTGCTCCTTCTGGCCGCTCTGCCTCCGGTGCTGCTG
D K I W L P F P V L L L A A L P P V L L
      130              150              170
      .              .              .
CCTGGGGCGGCCGGCTTCACACCTTCCCTCGATAGCGACTTCACCTTTACCTTCCCGCC
P G A A G F T P S L D S D F T F T L P A
      190              210              230
      .              .              .
GGCCAGAAGGAGTGCTTCTACCAGCCCATGCCCTGAAGGCCTCGCTGGAGATCGAGTAC
G Q K E C F Y Q P M P L K A S L E I E Y
      250              270              290
      .              .              .
CAAGTTTTAGATGGAGCAGGATTAGATATTGATTTCCATCTTGCCTCTCCAGAAGGCAAA
Q V L D G A G L D I D F H L A S P E G K
      310              330              350
      .              .              .
ACCTTAGTTTTTTGAACAAAGAAAATCAGATGGAGTTCACACTGTAGAGACTGAAGTTGGT
T L V F E Q R K S D G V H T V E T E V G
      370              390              410
      .              .              .
GATTACATGTTCTGCTTTGACAATACATTTCAGCACCATTTCTGAGAAGGTGATTTTCTTT
D Y M F C F D N T F S T I S E K V I F F
      430              450              470
      .              .              .
GAATTAATCCTGGATAATATGGGAGAACAGGCACAAGAACAAGAAGATTGGAAGAAATAT
E L I L D N M G E Q A Q E Q E D W K K Y
      490              510              530
      .              .              .
ATTACTGGCACAGATATATTGGATATGAAACTGGAAGACATCCTGGAATCCATCAACAGC
I T G T D I L D M K L E D I L E S I N S
      550              570              590
      .              .              .
ATCAAGTCCAGACTAAGCAAAAGTGGGCACATACAAACTCTGCTTAGAGCATTTGAAGCT
I K S R L S K S G H I Q T L L R A F E A

```

FIG.1A

```

        610                630                650
      .      .      .      .      .
CGTGATCGAAACATACAAGAAAGCAACTTTGATAGAGTCAATTTCTGGTCTATGGTTAAT
R  D  R  N  I  Q  E  S  N  F  D  R  V  N  F  W  S  M  V  N

        670                690                710
      .      .      .      .      .
TTAGTGGTCATGGTGGTGGTGTGTCAGCCATTCAAGTTTATATGCTGAAGAGTCTGTTTGAA
L  V  V  M  V  V  V  S  A  I  Q  V  Y  M  L  K  S  L  F  E

        730                750                770
      .      .      .      .      .
GATAAGAGGAAAAAGTAGAACTTAAAACTCCAACTAGAGTACGTAACATTGAAAAATGAG
D  K  R  K  S  R  T  *

        790                810                830
      .      .      .      .      .
GCATAAAAATGCCATAAACTGTTACAGTCCAGACCATTAATGGTCTTCTCCAAAATATTT

        850                870                890
      .      .      .      .      .
TGAGATATAAAAAGTAGGAAACAGGTATAATTTTAATGTGAAAATTAAGTCTTCACTTTCT

        910                930                950
      .      .      .      .      .
GTGCAAGTAATCCTGCTGATCCAGTTGTACTTAAGTGTGTAACAGGAATATTTTGCAGAA

        970                990                1010
      .      .      .      .      .
TATAGGTTTAACTGAATGAAGCCATATTAATAACTGCATTTTCCTAACTTTGAAAAATTT

        1030                1050                1070
      .      .      .      .      .
TGCAAATGTCTTAGGTGATTTAAATAAATGAGTATTGGGCCTAATTGCAACACCAGTCTG

        1090                1110                1130
      .      .      .      .      .
TTTTTTAACAGGTTCTATTACCCAGAACTTTTTTGTAAATGCGGCAGTTACAAATTAAGT

        1150                1170                1190
      .      .      .      .      .
TGGAAGTTTTTCAGTTTTAAGTTATAAATCACCTGAGAATTACCTAATGATGGATTGAATA

        1210                1230
      .      .      .      .      .
AATCTTTAGACTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

```

FIG.1B

1	.MGDKIWLPFPVLLLAALPPVLLPGAAGFTPSLDSDFTFLLPAGQKECFY	49
	: . ::: : : : . :: . :	
1	MMAAGAALALALWLL. .MPPVEV.GGAGPPPIQDGEFTFLLPAGRKQCFY	47
50	QPMPLKASLEIEYQVLDGAGLDIDFHLASPEGKTLVFEQRKSDGVHTVE.	98
 :: : . : .	
48	QSAPANASLETEYQVIGGAGLDVDFTLSPQGVLLVSESARKADGVHTVEP	97
99	TEVGDMFCFDNTFSTISEKVIFFELILDNMGEQAQEQEDWKYITGTDI	148
	. . : . :: : . : : : : : . : : : :	
98	TEAGDYKLCFDNSFSTISEKLVFFELIFDSLQDD. EEVEGWAEAVEPEEM	146
149	LDMKLEDILESINSIKSRLSKSGHIQTLLRAFEARDRNIQESNFDRVNFV	198
	: : : : : . . : : : : : : : :	
147	LDVKMEDIKESIETMRTRLERSIQMLTLLRAFEARDRNLQEGNLERVNFV	196
199	SMVNLVVMVVVSAIQVYMLKSLFEDKRKSRT. 229	
	: . : : . : : . : : . .	
197	SAVNVAVLLLVAVLQVCTLKRFFQDKRPVPT. 227	

FIG.2

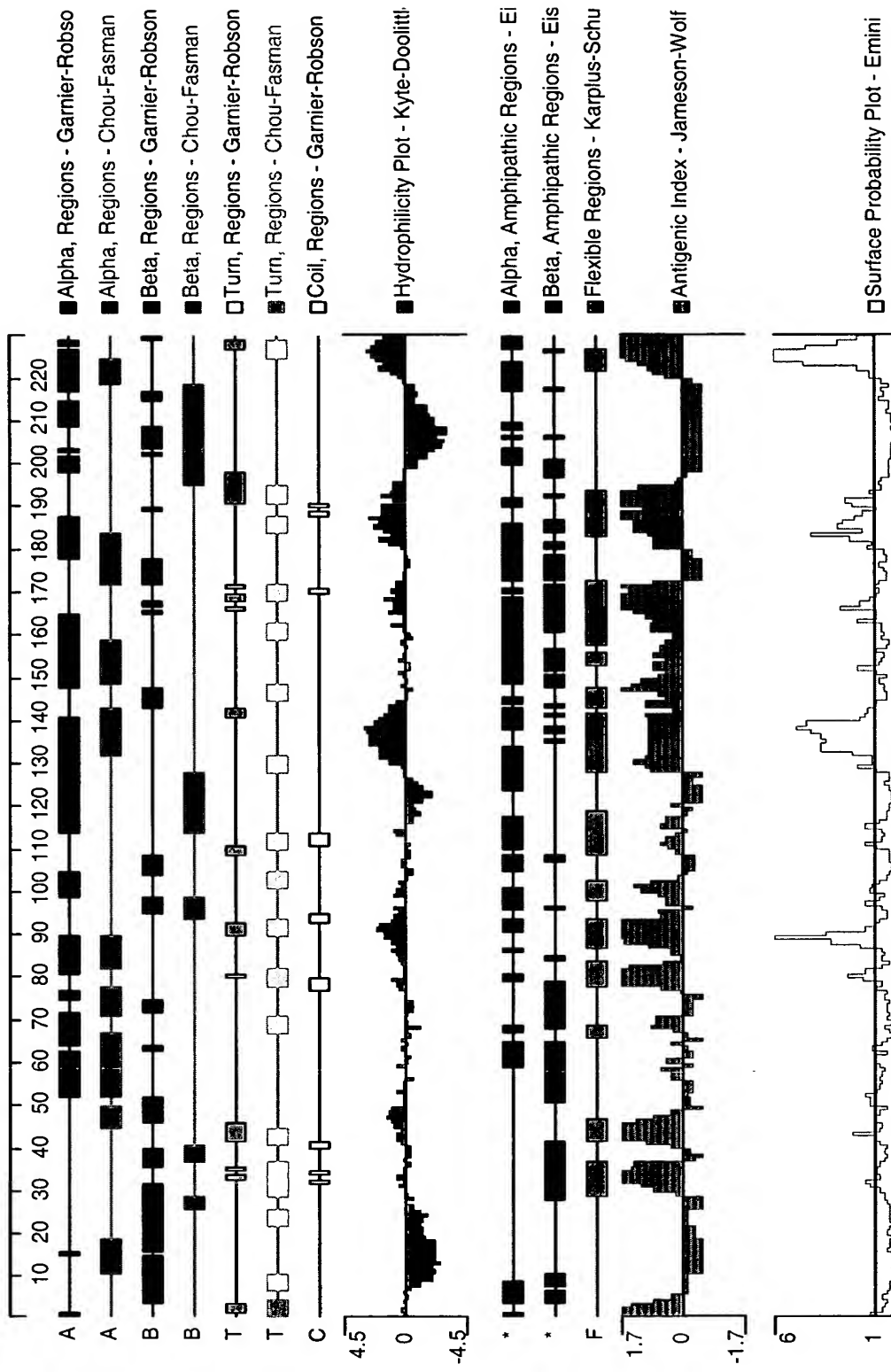


FIG.3